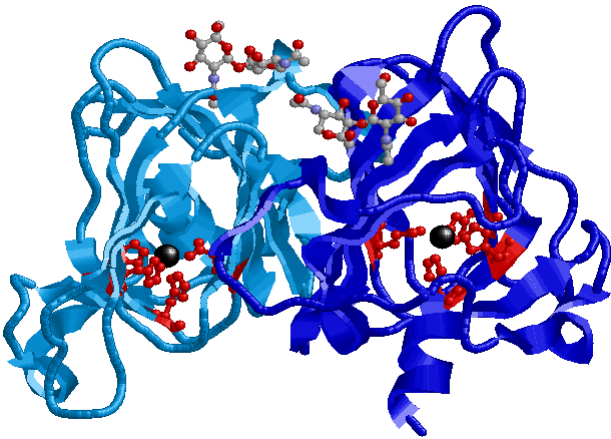


Predicción de la función de proteínas y genes cuyas anotaciones no son conocidas



Resumen:

Los expertos de la Universidad Pablo de Olavide tienen la capacidad de hacer **análisis de datos biológicos** para **predecir la función de secuencias proteicas específicas**, o bien de **genes concretos** cuyas anotaciones no son conocidas, a través de herramientas computacionales basadas en **minería de datos**.

Además los científicos están en disposición de **desarrollar herramientas bioinformáticas** que permitan predecir la función de la proteína que es codificada por un **gen huérfano**, es decir un gen completamente desconocido, que no se parezca a otro conocido previamente.

Palabras clave: Bioinformática, biomedicina, biotecnología, Minería de Datos, salud, tic

Sectores de aplicación: Salud

Área tecnológica: Tecnologías de la Información y las Comunicaciones, Ciencias y Tecnologías de la Salud

Universidad: Universidad Pablo de Olavide

Enlace: <http://www.upo.es/upotec/catalogo/salud/prediccion-de-la-funcion-de-proteinas-y-genes/>

Estado: published

Grupo de Investigación: Grupo de Bioinformática UPO-CABD. Area de Genética. Departamento de Biología Molecular e Ingeniería Química

Contacto [Solicitar más información de Predicción de la función de proteínas y genes cuyas anotaciones no son conocidas](#)